



КРАТКИЕ СООБЩЕНИЯ

УДК 547.963.3

ОБНАРУЖЕНИЕ ТРАНСКРИПЦИИ *Ki-ras* ПОДОБНЫХ
НУКЛЕОТИДНЫХ ПОСЛЕДОВАТЕЛЬНОСТЕЙ
ПРОТООНКОГЕНА *ras* В КЛЕТКАХ ГОЛОВНОГО
МОЗГА КРЫСЫ

СКОБЕЛЕВА Н. А., АМБАРЦУМЯН Н. С., ЗАХАРЯН Р. А.

Институт экспериментальной биологии АН АрмССР, Ереван

В геноме всех исследованных к настоящему времени эукариотических организмов содержится по крайней мере по одному представителю семейства генов *ras* [1, 2]. Эти гены были выявлены впервые как трансформирующие гены онкогенных вирусов саркомы крыс Харви и Кирстен (*Ki-MSV*, *Ha-MSV*). Мутантные гены семейства *ras* способны трансформировать фибробласты к опухолевому фенотипу [3]. Эволюционная консервативность генов, как и их трансформирующая активность, характерные для мутантных вариантов, позволяют предположить, что гены семейства *ras* играют существенную роль в пролиферации клеток и их дифференцировке в организме [4]. Транскрипция каждого протоонкогена, видимо, контролируется независимо в каждой ткани, поэтому уровни транскрипции различных онкогенов в тканях сильно варьируют. Показано, что гены семейства *ras* дифференциально экспрессируются в различных тканях мыши [5].

При инфекции культуры нервных клеток *Ki-* и *Ha-MSV* приостанавливается рост клеток и индуцируется их дифференцировка [6]. Обнаруживаются *ras*-специфические транскрипты и в дифференцированной нервной ткани у *D. melanogaster* [7]. В нервных тканях как млекопитающих, так и *D. melanogaster*, показан также высокий уровень экспрессии другого протоонкогена—*c-src* [8, 9]. Можно предположить, что некоторые протоонкогены играют определенную роль в поддержании дифференцированного статуса нервных клеток.

Целью настоящей работы было исследование возможности транскрипции последовательностей протоонкогена *ras* в клетках мозга крысы.

В работе были использованы dNTP («Amersham», Англия), [³²P]-dNTP—(В.О «Изотоп», Ташкент), агароза, трис, хлорамфеникол, лизоцим, бромид этидия («Sigma», США), нитроцеллюлозные филь-

тры («Millipore», США), GF/C фильтры («Whatman», Англия), сефадекс G-50, fine («Pharmacia Fine Chemicals», Швеция), дрожжевой экстракт, триптон, агар («Difco», США), ДНК-полимераза I из *E. coli*, рестриктазы—(П О «Фермент», Вильнюс) и другие реактивы аналитической чистоты.

Выделение из мозга крысы свободных полисом и полисомной РНК, получение поли(А)-РНК описано ранее [10]. На поли(А)-РНК—матрице, выделенной из мозга крысы, синтезированы структурные гены, последовательным действием ревертазы, ДНК-полимеразы I и S1 нуклеазы. Полученные структурные гены клонированы: в пекторе рBR 322 методом дГ—дЦ коннекторов по участку узнавания рестрикционной эндонуклеазой PstI [11].

Рекомбинантные клоны анализировали с помощью метода гибридизации колоний, используя в качестве «молекулярного зонда» меченый в системе ник-трансляции 1 кб. фрагмент *Ki-ras*-гена (У. А. $2 \cdot 10^5$ имп/мин/мкг), полученный из плазмиды Hi-Hi-3 [12] при обработке рестриктазой EcoRI и элюированный из низкоплавкой агарозы. Из 1,5 тысяч проанализированных клонов методом гибридизации колоний выявлено 2 клон, содержащих последовательности ДНК, гибридизирующиеся с этим «молекулярным зондом». Из одного гибридизирующегося клон выделена и очищена плазмидная ДНК, обозначенная нами как плазида рRK-1.

Метод клонирования структурных генов с помощью дГ—дЦ коннекторов по участку узнавания рестриктазой PstI удобен тем, что встроенная в плазмиду ДНК может быть выщеплена из рекомбинантной плазмиды с помощью этой же рестриктазы, что свидетельствует о восстановлении участка узнавания рестриктазы PstI по обеим сторонам от вставки ДНК. После обработки рекомбинантной плазмиды рRK-1 рестриктазой PstI и электрофореза в 1%-ной агарозе полученных продуктов рестрикции обнаруживается выщепляющийся фрагмент ДНК, размером ~450 пар оснований (п. о.) (рис. 1, а).

Доказательством того, что фрагмент, образующийся при обработке плазмиды рRK-1 рестриктазой PstI, действительно содержит *Ki-ras*-подобные последовательности, служат опыты по блот-гибридизации этого фрагмента с [32 P]ДНК, синтезированной в системе ник-трансляции по матрице *Ki-ras* фрагмента, выделенного из плазмиды Hi-Hi-3 (рис. 1, з).

Обработка плазмиды рRK-1 рестриктазами EcoRI, PvuII и SalGI показала, что во встроенной ДНК нет участков узнавания для рестриктаз EcoRI и SalGI, тогда как рестриктаза PvuII отщепляет от встроенной ДНК фрагмент размером ~60 пар оснований (рис. 1, б).

Методом блот-гибридизации проведен анализ РНК, выделенных из мозга крысы. Для этого РНК, выделенная из свободных полисом мозга крыс, разгонялась электрофорезом в 1,2%-ной агарозе, содержащей формальдегид, после чего продукты электрофореза переносили на нитроцеллюлозный фильтр [14] и гибридизовали с [32 P]ДНК, меченой в системе ник-трансляции по матрице плазмидной ДНК рRK-1 и Hi-Hi-3 (рис. 2). При гибридизации с двумя плазмидами выявлены



Рис. 2. Определение размеров рРНК, гибридизирующихся с [32 P]-ДНК плазмиды П1-П1-3 (а) и рРК-1 (б), после электрофореза в 1,2%-ной агарозе с формальдегидом и переноса рРНК на нитроцеллюлозный фильтр. В качестве маркеров использованы 28S, 18S и 5S рРНК кб (тысяча оснований)

2 зоны гибридизации РНК в районе ~ 4,0 и 2,0 кб. Ранее было показано, что в процессе развития мышечных эмбрионов происходит транскрипция 2-х с—*ras-Ki* мРНК, размеры которых соответствуют 2,0 и 4,4 кб. [15]. Совпадение размеров РНК, гибридизующихся с плазмидами рRK-1 и Hi-Hi-3 указывает на то, что выделенный нами клон действительно содержит *Ki-ras*-подобные последовательности.

Исходя из полученных нами данных, можно предположить, что в клетках мозга крысы происходит транскрипция протоонкогена *Ki-ras*, и нами получена плазмида, содержащая *Ki-ras*-подобные последовательности ДНК. Дальнейший анализ первичной структуры ДНК плазмиды рRK-1 позволит идентифицировать ген, возможно, относящийся к семейству генов *ras*.

DETERMINATION OF TRANSCRIPTION OF *ras* PROTOONCOGENE NUCLEOTIDE SEQUENCES SIMILAR TO *Ki-ras* IN RAT BRAIN CELLS

SKOBELEVA N. A., HAMBARTSUMYAN N. S., ZAKHARYAN R. A.
Institute of Experimental Biology Armenian Acad. Sci., Yerevan

A cDNA clone containing sequences similar to *Ki-ras* was isolated from rat brain cDNA library. In rat brain cells the sequences of protooncogene *Ki-ras* were proposed to be transcribed and a recombinant plasmid containing such sequences was obtained.

ЛИТЕРАТУРА

1. Shilo W., Weinberg R. Proc. Nat. Acad. Sci. USA, Biol. Sci. v. 78, № 11, p. 6789—6792, 1981.
2. Lowy D., Willamsen B. Cancer Surv. v. 5, № 2, p. 275—289, 1986.
3. Bishop J. M. Science, v. 235, № 4790, p. 305—311, 1987.
4. Slamon D. J., Cline M. J. Proc. Nat. Acad. Sci. USA, Biol. Sci. v. 81, № 22, p. 7141—7146, 1986.
5. Spandidos D. A., Dimitrov I. Biosci. Repts. v. 5, № 12, p. 1035—1039, 1985.
6. Noda M., Ko M., Ogura A., Liu W., Amano T., Takano A., Ikawa J. Nature, v. 318, № 6012, p. 73—75, 1985.
7. Segal D., Shilo B. Z. Mol. and Cell. Biol. v. 6, № 6, p. 2241—2248, 1986.
8. Brugge J. S., Cotton P. C., Quarral A. E., Barrett S. N., Nanner D., Keane R. W. Nature, v. 316, № 6028, p. 554—557, 1985.
9. Martinez R., Mathey-Prevot B., Bernards A., Baltimore D. Science, v. 237, № 4813, p. 411—415, 1987.
10. Скобелева Н. А., Бухман В. А., Захарян Р. А., Назарян К. Б., Казарян Б. А. Нейрохимия, т. 3, № 3, с. 280—283, 1984.
11. Скобелева Н. А., Захарян Р. А., Назарян К. Б., Казарян Б. А. Нейрохимия, т. 6, № 6, с. 506—511, 1987.
12. Ellis R. W., DeFeo D., Shin T. V., Gunde M. A., Young H. A., Tsuchida N., Lowy D. R., Scolnick E. M. Nature, v. 292, № 5708, p. 505—511, 1981.
13. Southern E. M. J. Mol. Biol., v. 98, № 3, p. 503—517, 1975.
14. Maniatis T., Fritsch E. F., Sambrook J. Molecular Cloning: a Laboratory Manual (Cold Spring Harbor Laboratory, Cold Spring Harbor, NY), 1982.
15. Muller R., Slamon D. J., Adamson E. D., Tremblay J. M., Muller D., Cline M. J., Verma J. Molec. Cell. Biol., v. 3, № 3, p. 1062—1069, 1983.

Поступила 28. III 1988